



711	720	729	738	747	756
GAT GAC CCC GTT TCC TAT CCA TGG ATA AGC ACC TCA GAA AAA GAA TAC ATC ATA					
D D P V S Y P W I S T S E K E Y I I					
765	774	783	792	801	810
TCC TCC TTG AAA CAA CAG GTC GGG TCT TCT AAG CAG CCT CTT CCC ATC AAA GCT					
S S L K Q Q V G S S K Q P L P I K A					
819	828	837	846	855	864
ATG CTC AGA TCT CTA CCC ATT TGG TCC ATA TGT TTA GGC TGT TTC AGC CAT CAA					
M L R S L P I W S I C L G C F S H Q					
873	882	891	900	909	918
TGG TTA GTT AGC ACA ATG GTT GTA TAC ATA CCA ACT TAC ATC AGC TCT GTG TAC					
W L V S T M V V Y I P T Y I S S V Y					
927	936	945	954	963	972
CAT GTT AAC ATC AGA GAC AAT GGA CTT CTA TCT GCC CTT CCT TTT ATT GTT GCC					
H V N I R D N G L L S A L P F I V A					
981	990	999	1008	1017	1026
TGG GTC ATA GGC ATG GTG GGA GGC TAT CTG GCA GAT TTC CTT CTA ACC AAA AAG					
W V I G M V G G Y L A D F L L T K K					
1035	1044	1053	1062	1071	1080
TTT AGA CTC ATC ACT GTG AGG AAA ATT GCC ACA ATT TTA GGA AGT CTC CCC TCT					
F R L I T V R K I A T I L G S L P S					
1089	1098	1107	1116	1125	1134
TCA GCA CTC ATT GTG TCT CTG CCT TAC CTC AAT TCC GGC TAT ATC ACA GCA ACT					
S A L I V S L P Y L N S G Y I T A T					
1143	1152	1161	1170	1179	1188
GCC TTG CTG ACG CTC TCT TGC GGA TTA AGC ACA TTG TGT CAG TCA GGG ATT TAT					
A L L T L S C G L S T L C Q S G I Y					
1197	1206	1215	1224	1233	1242
ATC AAT GTC TTA GAT ATT GCT CCA AGG TAT TCC AGT TTT CTC ATG GGA GCA TCA					
I N V L D I A P R Y S S F L M G A S					
1251	1260	1269	1278	1287	1296
AGA GGA TTT TCG AGC ATA GCA CCT GTC ATT GTA CCC ACT GTC AGC GGA TTT CTT					
R G F S S I A P V I V P T V S G F L					
1305	1314	1323	1332	1341	1350
CTT AGT CAG GAC CCT GAG TTT GGG TGG AGG AAT GTC TTC TTC TTG CTG TTT GCC					
L S Q D P E F G W R N V F F L L F A					
1359	1368	1377	1386	1395	1404
GTT AAC CTG TTA GGA CTA CTC TTC TAC CTC ATA TTT GGA GAA GCA GAT GTC CAA					
V N L L G L L F Y L I F G E A D V Q					

FIGURE 1B

1413            1422            1431            1440            1449            1458  
 GAA TGG GCT AAA GAG AGA AAA CTC ACT CGT TTA TGA AGT TAT CCC ACC TTG GAT  
 E    W    A    K    E    R    K    L    T    R    L

1467            1476            1485            1494            1503            1512  
 GGA AAA GTC ATT AGG CAC CGT ATT GCA TAA AAT AGA AGG CTT CCG TGA TGA AAA

1521            1530            1539            1548            1557            1566  
 TAC CAG TGA AAA GAT TTT TTT TTC CTG TGG CTC TTT TCA ATT ATG AGA TCA GTT

1575            1584            1593            1602            1611            1620  
 CAT TAT TTT ATT CAG ACT TTT TTT TGA GAG AAA TGT AAG ATG AAT AAA AAT TCA

1629            1638  
 AAT AAA ATG ATA ACT AAG AAT GC 3'

FIGURE 1C



207	F	S	H	Q	W	L	V	S	T	M	V	V	I	P	T	Y	I	S	S	V	Y	H	V	N	I	R	D	N	G	L	S	A	L	P	F	I	V	A	754412		
272	F	T	F	F	W	S	H	N	I	M	T	L	Y	T	P	M	F	I	N	S	M	L	H	V	N	I	K	E	N	G	F	L	S	S	L	P	Y	L	F	A	GI 450532
312	F	C	R	S	W	T	F	Y	L	L	L	I	S	Q	P	A	Y	F	E	E	V	F	G	F	E	I	S	K	V	G	L	V	S	A	L	P	H	L	V	M	GI 507415
247	W	V	I	G	M	V	G	G	Y	L	A	D	F	L	L	T	K	K	-	F	R	L	I	T	V	R	K	I	A	T	I	L	G	S	L	P	S	S	A	L	754412
312	W	I	C	G	N	L	A	G	Q	L	S	D	F	F	L	T	R	N	I	L	S	V	I	A	V	R	K	L	F	T	A	A	G	F	L	L	P	A	I	F	GI 450532
352	T	I	I	V	P	I	G	G	Q	I	A	D	F	L	R	S	R	H	I	M	S	T	T	N	V	R	K	L	M	N	C	G	G	F	G	M	E	A	T	L	GI 507415
286	I	V	S	L	P	Y	L	N	S	G	Y	I	T	A	T	A	L	L	T	L	S	C	G	L	S	T	L	C	Q	S	G	I	Y	I	N	V	L	D	I	A	754412
352	G	V	C	L	P	Y	L	S	S	T	F	Y	S	I	V	I	F	L	I	L	A	G	A	T	G	S	F	C	L	G	G	V	F	I	N	G	L	D	I	A	GI 450532
392	L	L	V	V	G	Y	S	H	S	K	G	V	A	I	S	-	F	L	V	L	A	V	G	F	S	G	F	A	I	S	G	F	N	V	N	H	L	D	I	A	GI 507415
326	P	R	Y	S	S	F	L	M	G	A	S	R	G	F	S	S	I	A	P	V	I	V	P	T	V	S	G	F	L	L	S	Q	D	P	E	F	G	W	R	N	754412
392	P	R	Y	F	G	F	I	K	A	C	S	T	L	T	G	M	I	G	G	L	I	A	S	T	L	T	G	L	I	L	K	Q	D	P	E	S	A	W	F	K	GI 450532
431	P	R	Y	A	S	I	L	M	C	I	S	N	G	V	G	T	L	S	G	M	V	C	P	I	I	V	G	A	M	T	K	H	K	T	R	E	E	W	Q	Y	GI 507415
366	V	F	F	L	L	F	A	V	N	L	L	G	L	L	F	Y	L	I	F	G	E	A	D	V	Q	E	W	A	K	E	R	K	L	T	R	-	-	-	-	754412	
432	T	F	I	L	M	A	I	N	V	T	G	L	I	F	Y	L	I	V	A	T	A	E	I	Q	D	W	A	K	E	K	Q	H	T	R	-	-	-	-	GI 450532		
471	V	E	L	I	A	S	L	V	H	Y	G	G	V	I	F	Y	G	V	F	A	S	G	E	K	Q	P	W	A	E	P	E	E	M	S	E	E	K	C	G	F	GI 507415
401	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	754412			
467	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 450532			
511	V	G	H	D	Q	L	A	G	S	D	E	S	E	M	E	D	E	V	E	P	P	G	A	P	P	A	P	P	S	Y	G	A	T	H	S	T	V	Q	P	GI 507415	
401	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	754412			
467	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 450532			
551	P	R	P	P	P	P	P	V	R	D	Y	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 507415		

FIGURE 2B

**A**

**B**

**C**

**D**

**E**

**F**

**G**

**H**

**I**

**J**

**K**

**L**

**M**

**N**

**O**

**P**

**Q**

**R**

**S**

**T**

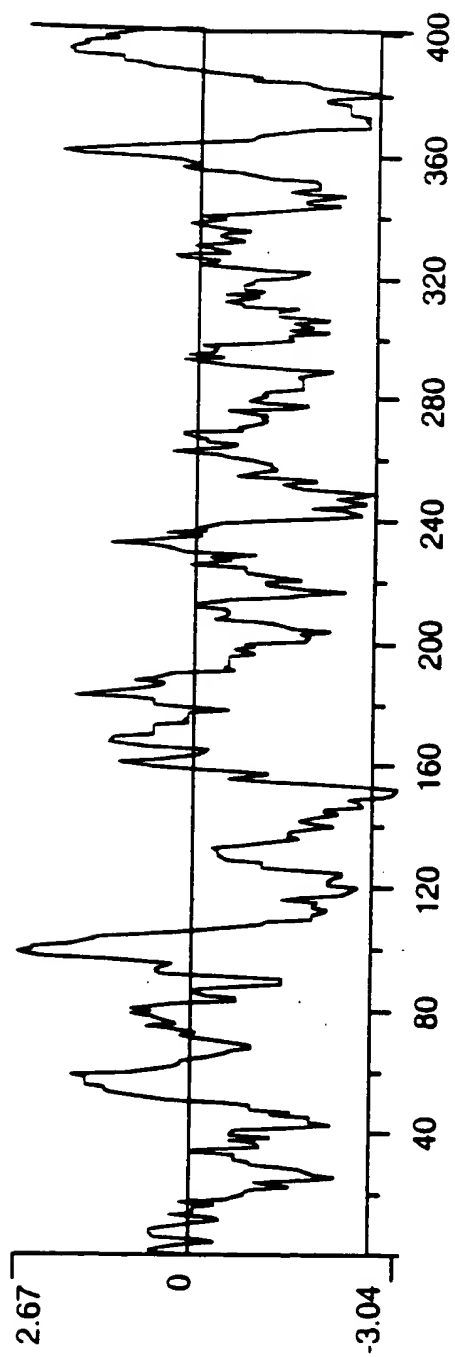
**V**

**W**

**X**

**Y**

**Z**



**FIGURE 3A**

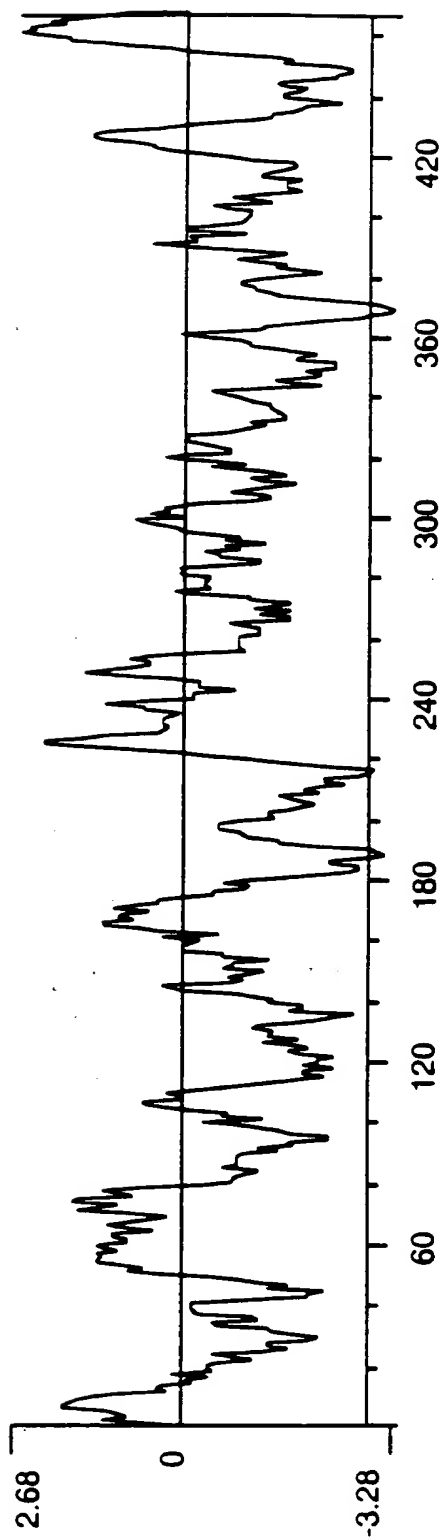


FIGURE 3B

703600 2233000

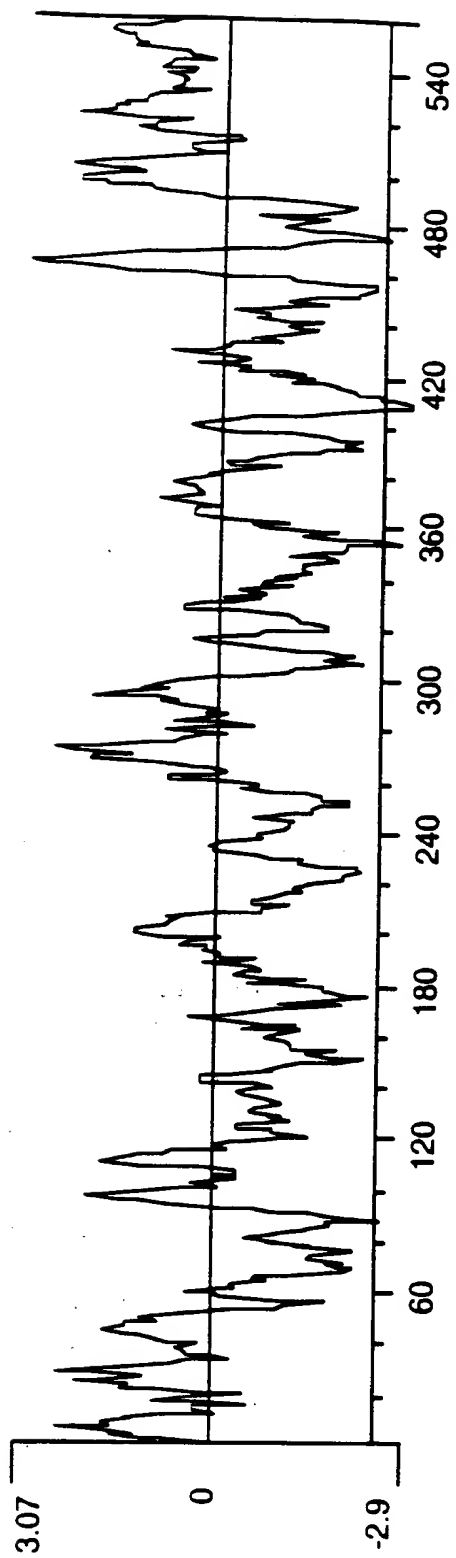


FIGURE 3C